

# Bilan d'activité et perspectives pour le projet « Populus » de Sciences à l'École

Le 24 juin 2024

Ces dix années de récolte de boutures, d'observations de terrain, d'extractions d'ADN, de PCR et d'analyses de séquences nucléotidiques de peupliers noirs (*Populus nigra*) nous ont permis à la fois d'enrichir les élèves mais aussi de constituer une banque de données génétiques découlant d'une démarche participative sans doute unique dans le domaine scolaire. Je vous propose un bilan du travail effectué et quelques réflexions pour envisager la suite du projet.

## 1 – Bilan des résultats pour le gène CAD.

Le travail collectif accompli peut se résumer dans les 5 tableurs collaboratifs mis à disposition des membres du réseau sur le site de Sciences à l'École (voir le lien en annexe<sup>(1)</sup>). Ils rassemblent les données génétiques permettant de caractériser un grand nombre de peupliers noirs sur le territoire français pour un total de plus de 500 génotypes répartis sur les 5 gènes du projet. L'analyse approfondie des données concernant le gène CAD a permis de produire les résultats résumés dans le tableau ci-dessous et détaillés par département dans la planche en annexe<sup>(2)</sup>.

Résultats pour le gène CAD, juin 2024																			
Effectif de chaque génotype										Effectif de chaque allèle					Fréquences alléliques				
I/I	I/II	I/III	I/IV	I/V	II/III	III/III	III/IV	III/V	IV/IV	I	II	III	IV	V	f(I)	f(II)	f(III)	f(IV)	f(V)
9	11	36	2	1	2	108	3	11	2	68	13	268	9	12	0,1838	0,0351	0,7243	0,0243	0,0324
										370									

Plusieurs constats peuvent être formulés:

- on a identifié en France cinq allèles CAD parmi les *Populus nigra* (annexe<sup>(2)</sup> doc. F) ;
- l'**allèle III**, qui se trouve correspondre à l'allèle du clone *italica* (qui est un peuplier noir), est l'allèle le plus répandu (72%) sur le territoire français;
- l'**allèle II**, plutôt rare à l'échelle du pays, est présent dans le nord-ouest et particulièrement en Loire-Atlantique et en Sarthe ;
- l'**allèle I** est présent sur l'ensemble du pays ;
- enfin l'**allèle IV** est rare et semble limité au sud-ouest (Pyrénées Atlantiques et Haute-Loire).

## 2 – Perspectives pour la suite.

**2.1** Les constats formulés dans le bilan qui précède peuvent suggérer que :

– l'importance de l'**allèle III** résulterait d'une pollution génétique par *italica* des populations qui préexistaient avant l'implantation artificielle massive de ce clone en Europe. Du reste l'échantillon de la Sarthe est constituée exclusivement de vieux à très vieux peupliers noirs or on voit que dans ce département l'**allèle III** est très minoritaire. Pour la Loire-Atlantique il faudrait avoir le profil de la population étudiée pour proposer une interprétation du résultat ;

– les **allèles I et II** seraient les allèles autochtones qui étaient là avant l'arrivée d'*italica* ;

– deux hypothèses pour l'**allèle IV** : ou bien il proviendrait d'Espagne ou des Pyrénées puisqu'il semble pour le moment cantonné au sud-ouest. Ou bien il s'agit aussi d'un allèle relictuel du sud-ouest. Son intérêt est aussi qu'il se distingue des autres allèles par un SNP non silencieux en 328 (thrénine vs alanine) et donc éventuellement qu'il pourrait être l'objet d'une sélection naturelle.

**2.2** Voici quelques problématiques inspirées des hypothèses précédentes et pouvant motiver un projet avec un ou plusieurs groupe(s) d'élèves sur une année:

- déterminer le niveau de l'**allèle III** et donc possiblement celui de la pollution génétique par *italica* dans le département du lycée (récolte de boutures locales ou commande de boutures à la pépinière de Guéméné, voir la collection mise à disposition dans l'annexe<sup>(3)</sup>);
- étudier une population de vieux peupliers noirs d'un département pour vérifier la moindre présence de l'**allèle III**;
- étudier l'un des 4 autres gènes du projet (PhyB1, PhyB2, PhyA ou CRY2) pour vérifier qu'on retrouve une forte présence d'allèle *italica* sur les populations jeunes vs vieilles;
- quelle est l'origine de l'**allèle IV** ?;
- quelle est l'origine de l'**allèle V** ? ...

Les résultats obtenus et analysés donneront lieu à une conclusion et pourront déboucher sur un projet de plantation ou de bourse aux boutures dans une optique de sauvegarde de la diversité génétique de l'espèce. Les municipalités, conseils départementaux, Régions, associations, etc. seront les partenaires naturels pour ce type de projet.

**2.3** Monter un projet Populus de Génome à l'École avec ses élèves.

#### Étapes d'un projet *Génome* en lycée

- 1 Choix de la problématique compte tenu des données disponibles (en classe?)
- 2 Récolte ou commande des boutures (annexe<sup>(3)</sup>) sur le département choisi
- 3 Mise au congélateur des feuilles ou en terre des boutures selon les besoins
- 4 Extraction de l'ADN en classe (ou lors de Portes Ouvertes, ou dans le cadre d'un atelier ...)
- 5 PCR en classe (...)
- 6 Séquençage par le laboratoire de séquençage d'Évry
- 7 Réception des séquences et relevé des nucléotides sur les positions clé (Genalys...) en classe
- 8 Détermination du génotype de chaque arbre (en classe?)
- 9 puis décompte des génotypes par département (tableur...)
- 10 puis des allèles par département
- 11 puis calcul des fréquences alléliques par département dans le même tableur (en classe)
- 12 puis transfert sur fichier .CSV
- 13 et enfin création de la carte Edugéo statistique France incluant les nouvelles données (en classe?).
- 14 Analyse des résultats, réponse à la problématique puis présentation (en classe)
- 15 Élaboration d'un « Projet Plantation-Biodiversité » avec les élèves
- 16 Communication au réseau Génome de ses résultats (en complétant les tableurs collaboratifs) et des prénoms (et noms?) des élèves ayant réalisé les extractions et/ou PCR pour valorisation sur la carte Edugéo commune accessible à tous (renvoyer la fiche « carte-edugéo » complétée → annexe<sup>(4)</sup> ).

### Difficultés particulières :

L'intérêt de ce projet est qu'il offre de multiples possibilités du point de vue pédagogique puisqu'on part du concret (voire du terrain) pour aboutir à une représentation d'une réalité biologique (génétique en l'occurrence) vaste puisqu'on étudie une espèce à l'échelle d'un pays. Cela en passant par des étapes très pratiques mettant en œuvre un matériel moderne de laboratoire et très en prise avec l'actualité et les programmes (PCR...). Par ailleurs l'exploitation de données génétiques brutes pour en tirer une représentation cartographique de la répartition des allèles est une occasion motivante d'utiliser divers outils informatiques (tableur pour trier les allèles et Edugéo pour les cartes). On peut également mettre en œuvre des test de Hardy-Weinberg sur les données mutualisées dans les tableurs collaboratifs. De même les projets de plantation sont concrets et motivent les élèves.

Pour autant mener à son terme le projet tel que résumé dans l'encadré ci-dessus avec ces 16 étapes (dont certaines seront réalisées par les élèves mais d'autres par les enseignants ou les adjoints techniques ou bien avec l'aide de Sciences à l'École) exige une certaine motivation et de surmonter certaines difficultés que je résume en proposant quelques clés:

- avoir un ou des adjoints techniques motivés, ce qui ne manque pas;
- bien planifier les étapes sur l'année surtout si certaines étapes sont réalisées par des élèves différents (par exemple extraction par des élèves de seconde puis PCR par des premières) ;
- concernant la lecture des fichiers de séquences reçus d'Évry il faut se simplifier les choses, si on n'est pas à l'aise avec l'utilisation de Genalys par exemple on peut obtenir les copies d'écran ciblées sur les SNP recherchés. En effet on n'est plus dans la même optique qu'en 2013 pour CAD puisque maintenant on connaît les principaux allèles présents sur le territoire donc on n'a que quelques positions à cibler sur les séquences. On n'a pas à « nettoyer » les séquences.
- concernant la détermination des allèles (étapes 8) c'est un travail un peu délicat pour les hétérozygotes car les séquences fournies superposent les 2 allèles de l'arbre, il faut donc déduire les 2 allèles par le raisonnement. C'est tout à fait envisageable de le faire seul mais quand on l'a vu faire une ou deux fois c'est plus facile...
- pour les étapes 9 à 13 c'est la même chose, si on a vu comment procéder c'est mieux !

Au terme de cette synthèse je formule le souhait que, forts de l'expérience acquise et encouragés par ces résultats prometteurs, les enseignantes et les enseignants du réseau Génome de Sciences à l'École, puissent continuer à s'investir dans ce projet collectif à la fois motivant et ambitieux pour les élèves.

Christian Tailliez  
Professeur de SVT au lycée Bellevue du Mans  
Membre du réseau Génome de Sciences À l'École

### Annexes :

(1) <https://www.sciencesalecole.org/plan-genome-a-lecole-ressources-pedagogiques-ressources-scientifiques/>

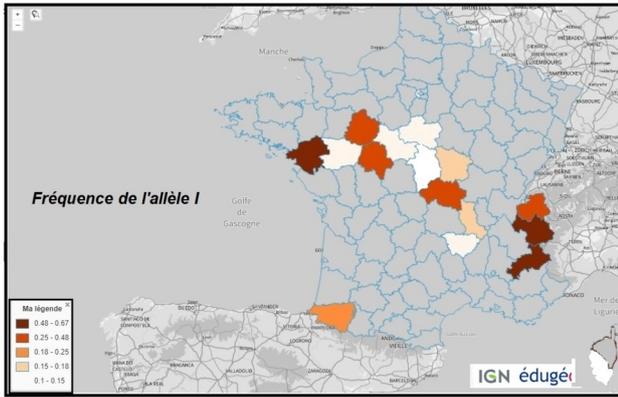
(2) planche (documents A à F) : résultats au 24 juin 2024 pour le gène CAD.

(3) carte des boutures que peut nous fournir la pépinière conservatoire de l'ONF-INRAE de Guéméné-Penfao (Loire-Atlantique)

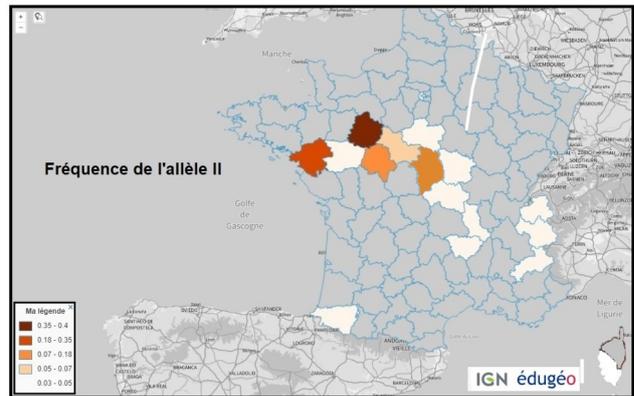
# Annexe (2)

## Répartition géographique des 5 allèles identifiés pour le gène CAD en France dans le cadre du projet Populus de Sciences à l'École

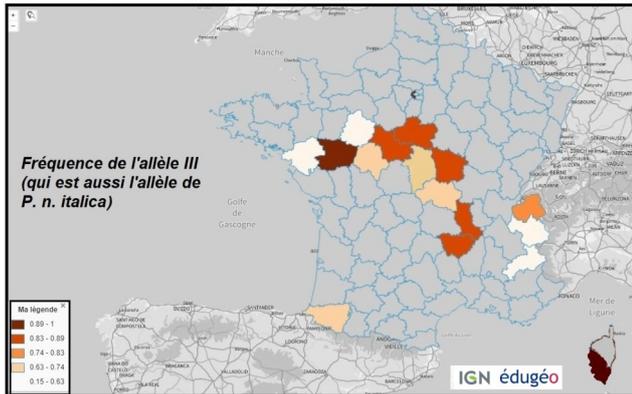
Document A: Fréquence de l'allèle I



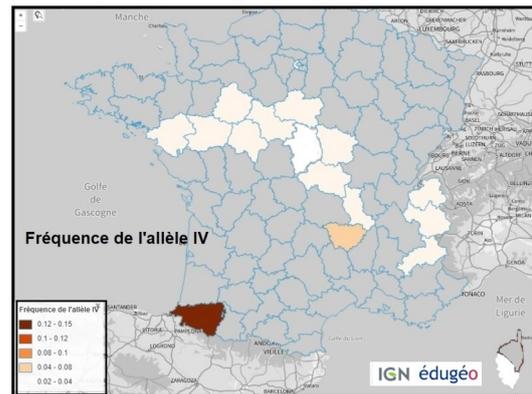
Document B: Fréquence de l'allèle II



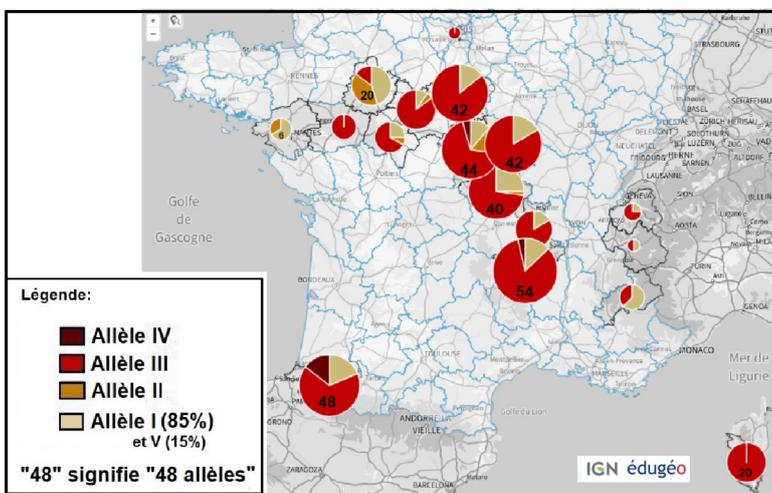
Document C: Fréquence de l'allèle III



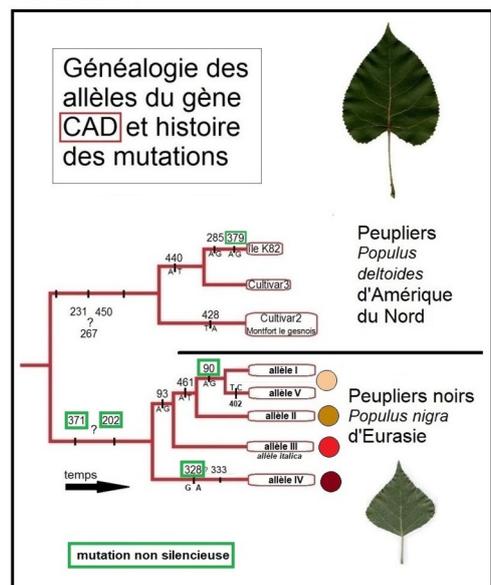
Document D: Fréquence de l'allèle IV



Document E: Répartition des 5 allèles parmi les populations étudiées depuis 2013



Document F:



# Annexe (3)

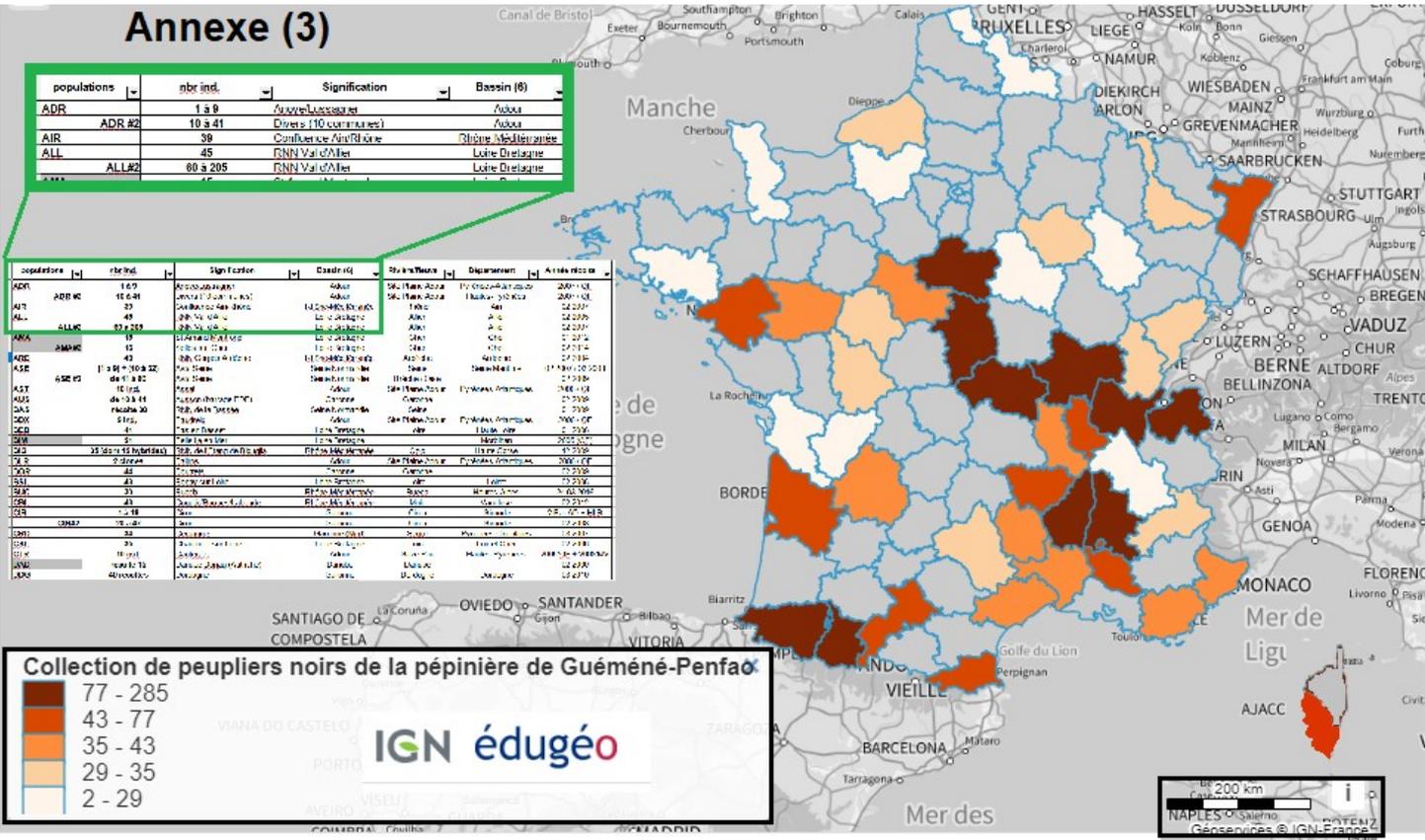
populations	nbr ind.	Signification	Bassin (6)
ADR	1 à 9	Arroy/Lussacien	Audou
ADR #2	10 à 41	Divers (10 communes)	Audou
AIR	39	Confluence Ayr/Ardène	Rhône-Méditerranée
ALL	45	RNN Val d'Aier	Loire-Dordogne
ALL #2	60 à 205	RNN Val d'Aier	Loire-Dordogne

populations	nbr ind.	Signification	Basin (6)	Statut (6)	Département	Arrière bassin
ADR	1 à 9	Arroy/Lussacien	Audou	Statut ADR	Finistère	2001-01
ADR #2	10 à 41	Divers (10 communes)	Audou	Statut ADR	Finistère	2001-01
AIR	39	Confluence Ayr/Ardène	Rhône-Méditerranée	Statut AIR	Ardèche	24-2009
ALL	45	RNN Val d'Aier	Loire-Dordogne	Statut ALL	Ardèche	24-2009
ALL #2	60 à 205	RNN Val d'Aier	Loire-Dordogne	Statut ALL	Ardèche	24-2009
ANA	19	Statut ANA	Loire-Dordogne	Statut ANA	Ardèche	24-2009
ANR	15	Statut ANR	Loire-Dordogne	Statut ANR	Ardèche	24-2009
ARC	43	Statut ARC	Loire-Dordogne	Statut ARC	Ardèche	24-2009
ASE	1 à 10 à 32	Statut ASE	Loire-Dordogne	Statut ASE	Ardèche	24-2009
AST	10 ind.	Statut AST	Loire-Dordogne	Statut AST	Ardèche	24-2009
AUS	de 10 à 41	Statut AUS	Loire-Dordogne	Statut AUS	Ardèche	24-2009
CAE	de 10 à 32	Statut CAE	Loire-Dordogne	Statut CAE	Ardèche	24-2009
COE	41	Statut COE	Loire-Dordogne	Statut COE	Ardèche	24-2009
COF	41	Statut COF	Loire-Dordogne	Statut COF	Ardèche	24-2009
COG	41	Statut COG	Loire-Dordogne	Statut COG	Ardèche	24-2009
COH	41	Statut COH	Loire-Dordogne	Statut COH	Ardèche	24-2009
COI	41	Statut COI	Loire-Dordogne	Statut COI	Ardèche	24-2009
COJ	41	Statut COJ	Loire-Dordogne	Statut COJ	Ardèche	24-2009
COK	41	Statut COK	Loire-Dordogne	Statut COK	Ardèche	24-2009
COL	41	Statut COL	Loire-Dordogne	Statut COL	Ardèche	24-2009
COM	41	Statut COM	Loire-Dordogne	Statut COM	Ardèche	24-2009
CON	41	Statut CON	Loire-Dordogne	Statut CON	Ardèche	24-2009
COO	41	Statut COO	Loire-Dordogne	Statut COO	Ardèche	24-2009
COQ	41	Statut COQ	Loire-Dordogne	Statut COQ	Ardèche	24-2009
COU	41	Statut COU	Loire-Dordogne	Statut COU	Ardèche	24-2009
COV	41	Statut COV	Loire-Dordogne	Statut COV	Ardèche	24-2009
COY	41	Statut COY	Loire-Dordogne	Statut COY	Ardèche	24-2009
COZ	41	Statut COZ	Loire-Dordogne	Statut COZ	Ardèche	24-2009

Collection de peupliers noirs de la pépinière de Guéméné-Penfao

- 77 - 285
- 43 - 77
- 35 - 43
- 29 - 35
- 2 - 29

IGN édugéo



Origine des boutures de *P. nigra* pouvant être fournies par la Pépinière de l'ONF-INRAE

